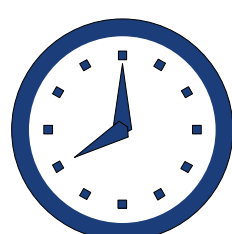


面對多元微生物體資料： 模型、統計、資訊等 分析方法之介紹



22 Nov
2025



9 AM-
4 PM



中央研究院
跨領域科技研究大樓
演講廳

講師陣容：



謝志豪 特聘教授
國立臺灣大學



葉昌偉 組長
國網中心



盧子彬 教授
國立臺灣大學



劉宗霖 教授
國立成功大學



黃兆立 副教授
國立成功大學



葉元鳴 副教授
林口長庚醫院



劉勃佑 助理教授
國立中山大學

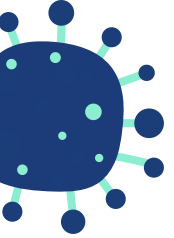


林心仁 博士
中央研究院

主辦單位：

立即報名：





面對多元微生物體資料：模型、統計、資訊等分析方法之介紹



22 Nov
2025



9 AM-
4 PM



中央研究院
跨領域科技研究大樓
演講廳

Time	Topic	Speaker
09:00~09:30	報到	
09:30~09:40	貴賓致詞	台灣微菌聯盟
Moderator：吳偉愷 臺灣大學 助理教授		
09:40~10:10	時間序列動態分析：邁向對複雜微生物生態系統的機制性理解與預測	謝志豪 特聘教授 國立臺灣大學 海洋研究所
10:10~10:40	國網中心高效能運算發展趨勢與對微生物菌相分析的助益	葉昌偉 組長 國家高速網路與計算中心
10:40~11:00	Coffee break	
11:00~11:30	從統計問題看微生物定序資料分析	盧子彬 教授 國立臺灣大學 公衛學院
11:30~12:00	從混亂到共識：總體基因體分箱的探索之旅	黃兆立 副教授 國立成功大學 熱帶植物科學與微生物學所
12:00~13:30	Lunch break	
Moderator：吳育瑋 臺北醫學大學 教授		
13:30~14:00	探索人體微生物菌相的挑戰與樂趣	劉宗霖 教授 國立成功大學 生物科技與產業科學系
14:00~14:30	臨床微菌分析與應用 - FMT 為例	葉元鳴 副主任 長庚微菌治療中心
14:30~14:50	Coffee break	
14:50~15:20	微生物體學的多體學整合分析	劉勃佑 助理教授 國立中山大學 學士後醫學系
15:20~15:50	運用次世代與三代定序方法之多源基因體組裝研究	林心仁 博士 中央研究院 生物多樣性研究中心
15:50~16:00	閉幕	